

家蚕基因组生物学国家重点实验室教授童晓玲和科研团队在蚕体内发现了一簇串联排列的糖转运蛋白编码基因(Str),通过“剂量共享”协同参与家蚕体内黄酮类化合物的吸收,从而决定绿茧的形成。基因编辑技术研究证实,这一簇Str功能缺陷会导致家蚕丝腺和蚕茧中黄酮类化合物的含量降低,蚕茧颜色随之变淡。研究团队还基于泛基因组系统分析了茧色多样化的形成机制,提出了从野桑蚕到家蚕的茧色演化模式,揭示蚕茧的遗传奥秘。